



ANÁLISIS DE LA MICROBIOTA ASOCIADA A DIARREAS NEONATALES PORCINA Y DE RUMIANTES MEDIANTE SECUENCIACIÓN MASIVA Y CARACTERIZACIÓN GENÓMICA DE LOS CLOSTRIDIOS IMPLICADOS (MIDICLO)

Código/referencia del Proyecto: PID2019-108071RR-C21. Entidad financiadora: Convocatoria 2019 Proyectos de I+D+i - RTI Tipo RTA Coord.

El objetivo principal del proyecto es definir los principales microorganismos participantes en la diarrea neonatal y su caracterización genómica, en especial del género *Clostridioides*, para determinar sus factores de resistencia, su capacidad toxigénica, y el análisis de las comunidades microbianas asociadas mediante secuenciación masiva. Proporcionará información valiosa para desarrollar vacunas efectivas y otras medidas profilácticas con el fin de mejorar la rentabilidad de las explotaciones ganaderas.

IMPACTO

Este proyecto pretende aplicar un enfoque holístico a un problema de amplia repercusión sanitaria y económica, como es la diarrea neonatal (ND) en los principales animales de abasto, rumiantes y cerdos. La diarrea neonatal produce graves pérdidas económicas en las explotaciones ganaderas por sus altas tasas de mortalidad y morbilidad y de reducción de la producción, pero también por causas indirectas como tratamientos y medidas de control.

Financiación:

